

CARACTERÍSTICAS CLÍNICAS Y DESCENLACES SEGÚN LA VARIANTE GENÉTICA EN PACIENTES CON COVID 19

Corral M, Goldman I, Giordano A, Hurtado J, Quiroga C, Rodriguez F, Tenzi J, Aldunante, F, Fajardo A, Echeverría N, Pereira-Gomez, M, Ferla D, Moreno P, Moratorio G, Nin N.

Unidad de Medicina Intensiva del Hospital Español, "Juan José Crottogini". Unidad de Medicina Intensiva del Instituto Nacional de Ortopedia y Traumatología. Laboratorio de Evolución Experimental de Virus, Instituto Pasteur (Montevideo, Uruguay).

Contacto: mercedescorral15@gmail.com.

INTRODUCCIÓN:

Este estudio busca evaluar el impacto de las variantes genéticas y la carga viral en pacientes críticos con COVID-19, analizar las características clínicas según las variantes genéticas, cuantificar la carga viral en distintos momentos de la evolución y examinar los resultados clínicos y factores asociados a la mortalidad.

MATERIALES Y MÉTODOS

El estudio se llevó a cabo en dos hospitales de Montevideo, Uruguay, desde abril de 2020 hasta febrero de 2022: el Hospital Español y el Instituto Nacional de Ortopedia y Traumatología. Incluyó a pacientes mayores de 18 años con COVID-19 grave ingresados en unidades de cuidados intensivos. Se realizó genotipificación viral y cuantificación de la carga viral. Se recopilaron datos demográficos y clínicos y se analizaron los desenlaces utilizando pruebas estadísticas y regresión logística.

RESULTADOS

Se analizaron 175 pacientes con determinación de la variante genética de SARS-CoV-2 y carga viral (rtPCR), incluyendo tres variantes: Pre P1, P1 y omicron. No se observaron diferencias significativas en la estadía en UCI ni en los días de ventilación mecánica entre las variantes. Sin embargo, se notó una tendencia al aumento de la mortalidad en los grupos P1 y omicron. La carga viral no varió significativamente entre las variantes genéticas. Las variables independientes asociadas a la mortalidad fueron la edad, la carga viral al día 3 y la sobreinfección en la evolución.

CONCLUSIONES

La población tenía individuos con scores de severidad altos e insuficiencia respiratoria grave. La variante genética de SARS COV 2 no se asoció con la mortalidad ni con la carga viral y su evolutividad. La carga viral se asoció con la mortalidad. La misma disminuyó con el tiempo independientemente de la variante genética. La presencia de sobreinfección en la evolución, lo cual aumentó exponencialmente con las diferentes variantes, se asoció de forma independiente con la mortalidad.

REFERENCIAS

1. García-Vidal C. Incidence of co-infections and superinfections in hospitalized COVID-19 patients: A retrospective cohort study.
2. Magleby-R. Impact of Severe Acute Respiratory Syndrome Coronavirus 2 Viral Load on Intubation Risk and Mortality Among Hospitalized COVID-19 Patients.
3. Soria-ME. High SARS-CoV-2 viral load is linked to worse clinical outcomes in COVID-19 disease.

Información personal

Nombre del Presentador: Mercedes

Apellido del Presentador: Corral

Email: mercedescorral15@gmail.com

Número de celular: 091061729

País: Uruguay

Ciudad: Montevideo

Envío

Aspira a Premio: Si

Tipo de trabajo: Trabajo Médico